Datum:

Patientendaten  
  
Name:

Geb.-Dat.:

*(Alternativ Patientenetikett)*

Absender Klinik/Praxis:

**Pathologisches Institut**

Patientenetikett

Patientenetikett

Institutsdirektor

Patientenetikett

Prof. Dr. med. Thomas Rüdiger

Ansprechpartnerin Mutationsanalysen:

OÄ Dr. med. Lisa Fauth

0721 974-1862

[lisa.fauth@klinikum-karlsruhe.de](mailto:lisa.fauth@klinikum-karlsruhe.de)

**Antrag auf molekularpathologische Begutachtung**

(mit Einverständnis des Patienten)

Ambulant (Ü-Schein im Original liegt bei)  Privat  Stationär

Muster 10 – Überweisungsschein für Lab.-Untersuchung

**Klinische Angaben:**

**Diagnose (ICD 10):**

**Prädiktive und prognostische Analysen (organspezifisch) *\* in Kooperation mit externen Laboren***

|  |  |
| --- | --- |
| **Lungenkarzinom** | |
|  | **Standardpanel** |
|  | *ALK*-Fusionen |
| *RET*-Fusionen |
| *ROS1*-Fusionen |
| *NTRK1*/*NTRK2*/*NTRK3*-Fusionen |
| *BRAF* Mutationen (Exon 11, 15) |
| *EGFR* Mutationen (Exon 18-21) |
| PD-L1 (IHC) |
|  | **Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)** |
|  | *EGFR* Resistenzmutation T790M (Exon 20)  ***bitte Primärmutation mitteilen*** |
|  | *HER2/ERBB2* Mutationen  (Exon 8, 17, 18, 19, 20, 21, 22) |
|  | *KRAS* Mutationen  (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4) |
|  | *MET* Ex14 Skipping Variante |
|  | *PIK3CA* Mutationen  (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 21) |
|  | *TP53* Mutationen (Exon 5, 6, 7, 8) |
|  | *MET*-Amplifikation (FISH) |
|  | |
| **Schilddrüsenkarzinom** | |
|  | *RET* Mutationen  (Exon 10, 11, 13, 14, 15, 16) |
|  | *RET*-Fusionen |
|  | *BRAF* Mutationen (Exon 15) |
|  | |
| **Kopf-Hals Tumoren** | |
|  | EBV (EBER ISH) |
|  | PD-L1 (IHC) |
|  | p16(IHC) |
|  | |
| **Kolorektales Karzinom** | |
|  | **Standardpanel** |
|  | *BRAF* Mutationen (Exon 15) |
| *KRAS* Mutationen  (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4) |
| *NRAS* Mutationen (Exon 2, 3, 4) |
|  | **Weitere potentiell relevante** |
| **Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)** |
|  | *PIK3CA* Mutationen  (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 11, 20, 21) |
|  | HER2/ERBB2 Status  (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH) |
|  | MMR Proteine  (IHC: MLH1, PMS2, MSH2, MSH6) |
|  | MSI/MMR-Status prädiktiv  (IHC: MSH6, PMS2) |
|  | Mikrosatelliten-Instabilität  (MSI PCR) |
|  | *MLH1*-Promotor Methylierung**\*** |
|  | |
| **Magen/Ösophaguskarzinom** | |
|  | HER2/ERBB2 Status  (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH) |
|  | PD-L1 (IHC) |
|  | Claudin18.2 (IHC) |
|  | |
| **Gastrointestinaler Stromatumor/GIST** | |
|  | **Standardpanel** |
|  | *KIT* Mutationen  (Exon 9, 11, 13, 14, 17, 18) |
| *PDGFRA* Mutationen  (Exon 12, 14, 18) |
| SDHB (IHC) |
|  | |
| **Cholangiokarzinom** | |
|  | **Standardpanel** |
|  | *FGFR2*-Fusionen (FISH) |
| *IDH1*/*IDH2* Mutationen (Exon 4) |
| *BRAF* Mutationen (Exon 11, 15) |
| *NTRK1*/*NTRK2*/*NTRK3*-Fusionen |
| HER2/ERBB2 Status  (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH) |
| MSI/MMR-Status prädiktiv  (IHC: MSH6, PMS2) |
|  | **Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)** |
|  | *KRAS* Mutationen  (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4) |
|  | HER2/ERBB2 Mutationen  (Exon 8, 17, 18, 19, 20, 21) |
|  | *BRCA1*/*BRCA2* Mutationen **\*** |
|  | *PIK3CA* Mutationen  (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 11, 20, 21) |
|  | *MET*-Amplifikation (FISH) |
|  | |
| **Pankreaskarzinom** | |
|  | *KRAS* Mutationen  (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4) |
|  | MSI/MMR-Status prädiktiv  (IHC: MSH6, PMS2) |
|  | |
| **Mammakarzinom** | |
|  | HER2/ERBB2 Status  (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH) |
|  | *PIK3CA* Mutationen  (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 11, 20, 21) |
|  | HRD Analyse **\*** |
|  | PD-L1 (IHC) |
|  | |
|  | |
|  | |
|  | |
|  | |
|  | |
|  | |
| **Ovarialkarzinom** | |
|  | *BRCA1*/*BRCA2* Mutationen **\*** |
|  | HRD Analyse **\*** |
|  | |
| **Endometriumkarzinom** | |
|  | MSI/MMR-Status  (IHC: MSH6, PMS2) |
|  | *TP53* Mutationen (Exon 5, 6, 7, 8) |
|  | *L1CAM* Expressionsanalyse (IHC) |
|  | *POLE* Mutationen (Exon 9-14) **\*** |
|  | *MLH1*-Promotor Methylierung**\*** |
|  | |
| **Prostatakarzinom** | |
|  | *BRCA1*/*BRCA2* Mutationen **\*** |
|  | HRD Analyse **\*** |
|  | PTEN Expressionsanalyse (IHC) |
|  | |
| **Urothelkarzinom** | |
|  | **FGFR** |
|  | *FGFR1/2/3*-Fusionen |
| *FGFR1* Mutationen (Exon 13, 14) |
| *FGFR2* Mutationen  (Exon 7, 8, 9, 12, 13, 14) |
| *FGFR3* Mutationen  (Exon 7, 9, 13, 14, 16) |
|  | **Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)** |
|  | HER2/ERBB2 Status  (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH) |
|  | PD-L1 (IHC) |
| **1** | |
| **Malignes Melanom** | |
|  | **Standardpanel** |
|  | *BRAF* Mutationen (Exon 11, 15) |
| *NRAS* Mutationen (Exon 2, 3, 4) |
|  | **Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)** |
|  | *KIT* Mutationen  (Exon 8, 9, 10, 11, 13, 14, 17, 18) |
|  | *GNA11* Mutationen (Exon 4, 5) |
|  | *GNAQ* Mutationen (Exon 4, 5) |
|  | |
| **Sonstige in-situ-Hybridisierungen** | |
|  | CDK4Amplifikation  (Liposarkom, Osteosarkom) |
|  | FGFR Alterationen |
|  | HER2/ERBB2 Amplifikation (Mammakarzinom) |
|  | MET Amplifikation (Lungenkarzinom, Gliome) |
|  | NTRK1Translokationen |
|  | NTRK2 Translokationen |
|  | NTRK3 Translokationen |
|  | EBV (EBER ISH)  (Magenkarzinom, Lymphome) |