



Datum:

Patientendaten

Name:

Geb.-Dat.:

(Alternativ Patientenetikett)

Absender Klinik/Praxis:

Antrag auf molekularpathologische Begutachtung (mit Einverständnis des Patienten)

Ambulant (Ü-Schein im Original liegt bei) Privat Stationär
Muster 10 – Überweisungsschein für Lab.-Untersuchung

Klinische Angaben: Diagnose (ICD 10):

Pathologisches Institut

Institutsdirektor

Prof. Dr. med. Thomas Rüdiger

Ansprechpartnerin Mutationsanalysen:

OÄ Dr. med. Lisa Fauth

0721 974-1862

lisa.fauth@klinikum-karlsruhe.de

Prädiktive und prognostische Analysen (organspezifisch) * in Kooperation mit externen Laboren

Lungenkarzinom	
<input type="checkbox"/>	Standardpanel
	ALK-Fusionen
	RET-Fusionen
	ROS1-Fusionen
	NTRK1/NTRK2/NTRK3-Fusionen
	BRAF Mutationen (Exon 11, 15)
	EGFR Mutationen (Exon 18-21)
	PD-L1 (IHC)
	Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)
<input type="checkbox"/>	EGFR Resistenzmutation T790M (Exon 20) <i>bitte Primärmutation mitteilen</i>
<input type="checkbox"/>	HER2/ERBB2 Mutationen (Exon 8, 17, 18, 19, 20, 21, 22)
<input type="checkbox"/>	KRAS Mutationen (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4)
<input type="checkbox"/>	MET Ex14 Skipping Variante
<input type="checkbox"/>	PIK3CA Mutationen (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 21)
<input type="checkbox"/>	TP53 Mutationen (Exon 5, 6, 7, 8)
<input type="checkbox"/>	MET-Amplifikation (FISH)
Schilddrüsenkarzinom	
<input type="checkbox"/>	RET Mutationen (Exon 10, 11, 13, 14, 15, 16)
<input type="checkbox"/>	RET-Fusionen
<input type="checkbox"/>	BRAF Mutationen (Exon 15)
Kopf-Hals Tumoren	
<input type="checkbox"/>	EBV (EBER ISH)
<input type="checkbox"/>	PD-L1 (IHC)
<input type="checkbox"/>	p16 (IHC)
Kolorektales Karzinom	
<input type="checkbox"/>	Standardpanel
	BRAF Mutationen (Exon 15)
	KRAS Mutationen (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4)
	NRAS Mutationen (Exon 2, 3, 4)
	Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)
<input type="checkbox"/>	PIK3CA Mutationen (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 11, 20, 21)
<input type="checkbox"/>	HER2/ERBB2 Status (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH)
<input type="checkbox"/>	MMR Proteine (IHC: MLH1, PMS2, MSH2, MSH6)
<input type="checkbox"/>	MSI/MMR-Status prädiktiv (IHC: MSH6, PMS2)

<input type="checkbox"/>	Mikrosatelliten-Instabilität (MSI PCR)
<input type="checkbox"/>	MLH1-Promotor Methylierung*
Magen/Ösophaguskarzinom	
<input type="checkbox"/>	HER2/ERBB2 Status (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH)
<input type="checkbox"/>	PD-L1 (IHC)
<input type="checkbox"/>	Claudin18.2 (IHC)
Gastrointestinaler Stromatumor/GIST	
<input type="checkbox"/>	Standardpanel
	KIT Mutationen (Exon 9, 11, 13, 14, 17, 18)
	PDGFRA Mutationen (Exon 12, 14, 18)
	SDHB (IHC)
Cholangiokarzinom	
<input type="checkbox"/>	Standardpanel
	FGFR2 Fusionen (FISH)
	IDH1/IDH2 Mutationen (Exon 4)
	BRAF Mutationen (Exon 11, 15)
	NTRK1/NTRK2/NTRK3-Fusionen
	HER2/ERBB2 Status (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH)
	MSI/MMR-Status prädiktiv (IHC: MSH6, PMS2)
	Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)
<input type="checkbox"/>	KRAS Mutationen (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4)
<input type="checkbox"/>	HER2/ERBB2 Mutationen (Exon 8, 17, 18, 19, 20, 21)
<input type="checkbox"/>	BRCA1/BRCA2 Mutationen *
<input type="checkbox"/>	PIK3CA Mutationen (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 11, 20, 21)
<input type="checkbox"/>	MET-Amplifikation (FISH)
Pankreaskarzinom	
<input type="checkbox"/>	KRAS Mutationen (Exon 2 [inklusive G12C], 3, 4)
<input type="checkbox"/>	MSI/MMR-Status prädiktiv (IHC: MSH6, PMS2)
Mammakarzinom	
<input type="checkbox"/>	HER2/ERBB2 Status (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH)
<input type="checkbox"/>	PIK3CA Mutationen (Exon 2, 3, 5, 8, 10, 11, 20, 21)
<input type="checkbox"/>	HRD Analyse *
<input type="checkbox"/>	PD-L1 (IHC)

Ovarialkarzinom	
<input type="checkbox"/>	BRCA1/BRCA2 Mutationen *
<input type="checkbox"/>	HRD Analyse *
Endometriumkarzinom	
<input type="checkbox"/>	MSI/MMR-Status (IHC: MSH6, PMS2)
<input type="checkbox"/>	TP53 Mutationen (Exon 5, 6, 7, 8)
<input type="checkbox"/>	L1CAM Expressionsanalyse (IHC)
<input type="checkbox"/>	POLE Mutationen (Exon 9-14) *
<input type="checkbox"/>	MLH1-Promotor Methylierung*
Prostatakarzinom	
<input type="checkbox"/>	BRCA1/BRCA2 Mutationen *
<input type="checkbox"/>	HRD Analyse *
<input type="checkbox"/>	PTEN Expressionsanalyse (IHC)
Urothelkarzinom	
<input type="checkbox"/>	FGFR3 Alterationen ¹
	FGFR3 Fusionen
	FGFR3 Mutationen
	¹ laut EMA Zulassung für Erdafitinib
	Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)
<input type="checkbox"/>	HER2/ERBB2 Status (IHC HER2/ERBB2 und ggf. FISH)
<input type="checkbox"/>	PD-L1 (IHC)
Malignes Melanom	
<input type="checkbox"/>	Standardpanel
	BRAF Mutationen (Exon 11, 15)
	NRAS Mutationen (Exon 2, 3, 4)
	CDKN2A Mutationen (Exon 2)
	Weitere potentiell relevante Zielstrukturen (z.B. Zweitlinie)
<input type="checkbox"/>	KIT Mutationen (Exon 8, 9, 10, 11, 13, 14, 17, 18)
<input type="checkbox"/>	GNA11 Mutationen (Exon 4, 5)
<input type="checkbox"/>	GNAQ Mutationen (Exon 4, 5)
Sonstige in-situ-Hybridisierungen	
<input type="checkbox"/>	CDK4 Amplifikation (Liposarkom, Osteosarkom)
<input type="checkbox"/>	FGFR2 Fusionen
<input type="checkbox"/>	HER2/ERBB2 Amplifikation (Mammakarzinom)
<input type="checkbox"/>	MET Amplifikation (Lungenkarzinom, Gliome)
<input type="checkbox"/>	NTRK1 Fusionen
<input type="checkbox"/>	NTRK2 Fusionen
<input type="checkbox"/>	NTRK3 Fusionen
<input type="checkbox"/>	EBV (EBER ISH) (Magenkarzinom, Lymphome)

